

Extern Nr. 006859000297

Naam	-	Geboortedatum	01.01.1966	Opdrachtnr.	-
Voornaam	-	Geslacht	vrouwelijk	Ingangsdatum	22.10.2018
Datum monsterafname	19.10.2018 08:30	Gevalideerd door	Thomas Gugerel	Uitslagstatus	Eindbericht
Materiaal	AB, VAAB	Gevalideerd op	30.10.2018	Uitslagstatus op	30.10.2018

Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik	Vorig onderzoek
------	---------	---------	------------	-----------------

Vaginaal diagnostiek

Vaginaal microbiom

Kenmerken van vaginale afscheiding

pH-waarde	4,7	4,0 - 4,4		VAAB NA)
-----------	-----	-----------	--	-------------

Diversiteit

Diversiteit	3,44	< 0,90		AB NA) MGSEQ
-------------	------	--------	--	-----------------

De diversiteit in de vaginale microbiota kan van mens tot mens verschillen. Een lage diversiteit is een teken van een gezonde fysiologische vaginale microbiota. Een hoge diversiteit kan op mycoses, pathogene bacteriën of seksueel overdraagbare aandoeningen wijzen.

Grad

3,4

Vagina type / Community state type (CST)

De samenstelling van de vaginale microbiota kan in verschillende groepen verdeeld worden, de zogenaamde vagitypen. De vijf vagitypes I, II, III, IV en V worden onderscheiden door de dominerende lactobacillus species.

Vaginaltyp

IV

Bacteriële vaginose-score

Aan de hand van de BV-score wordt de vaginale microbiota beoordeeld op een bacteriële vaginose (BV). Voor deze beoordeling wordt gekeken naar de fysiologische lactobacillen flora, de anaerobe begeleidende flora en de BV-geassocieerde flora.

BV Score

< 5 normaal
5 - 8 intermediair
> 8 positief

9

H2O2-opbouw

H2O2-synthese index	1,00	> 4		AB NA) MGSEQ
---------------------	------	-----	--	-----------------

Lactobacillus (meest voorkomende spp.)

Lactobacillus crispatus	0,00	%		AB NA) MGSEQ
Lactobacillus gasseri	0,55	%		AB NA) MGSEQ
Lactobacillus jensenii	0,00	%		AB NA) MGSEQ
Lactobacillus iners	0,00	%		AB NA) MGSEQ
Lactobacillus (totaal)	0,6	%		AB NA) MGSEQ

Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik	Vorig onderzoek
------	---------	---------	------------	-----------------

Bacteriën geassocieerd met bacteriële vaginose

Atopobium vaginae	0,00	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
BVAB*-1	0,00	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
BVAB*-2	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
BVAB*-3	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Bacteroides fragilis	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Gardnerella vaginalis	1,53	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Megasphaera spp.	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Eggerthella spp.	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Aerococcus christensenii	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Dialister microaerophilus	0,78	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Prevotella spp.	59,79	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Dialister spp.	0,78	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Mobiluncus spp.	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ

Anaërobe bacteriën

Anaerococcus spp.	13,00	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Bacteroides spp.	0,18	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Corynebacterium spp.	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Escherichia spp.	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Fingoldia spp.	0,11	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Gemella spp.	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Lachnospiraceae	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Mycoplasma spp.	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Parvimonas spp.	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Sneathia spp.	<0,01	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Streptococcus spp.	7,51	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Ureaplasma spp.	1,14	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Veillonella spp.	3,48	%	< 0,01		AB NA) MGSEQ
Overig	11,93	%			AB NA) MGSEQ

Candida

Candida albicans	negatief		negatief		AB NA) QPCR
Candida glabrata	negatief		negatief		AB NA) QPCR
Candida tropicalis	negatief		negatief		AB NA) QPCR
Candida parapsilosis	negatief		negatief		AB NA) QPCR
Candida krusei	negatief		negatief		AB NA) QPCR
Candida lusitanae	negatief		negatief		AB NA) QPCR
Candida dubliniensis	negatief		negatief		AB NA) QPCR