

Extern Nr.

Naam	Geboortedatum		Opdrachtnr.	
Voornaam	Geslacht	vrouwelijk	Ingangsdatum	21.01.2021
Datum monsterafname	21.01.2021 00:00	Gevalideerd door	Uitslagstatus	Eindbericht
Materiaal	FE	Gevalideerd op	Uitslagstatus op	09.02.2021

Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik	Vorig onderzoek	Materiaal Methode
Fecesdiagnostiek					
Mikrobiomanalyse Midi PLUS (Microbioom Center)					
Moleculair-genetische microbioomanalyse 3.0					
Diversiteit					
Diversiteit	6,07		> 5		FE NA) MGSEQ

De diversiteit aan bacteriën in de darm kan van mens tot mens sterk variëren. Frequent gebruik van antibiotica, infecties, toenemende leeftijd, eenzijdige voeding of roken zijn hierop van invloed.

Grad



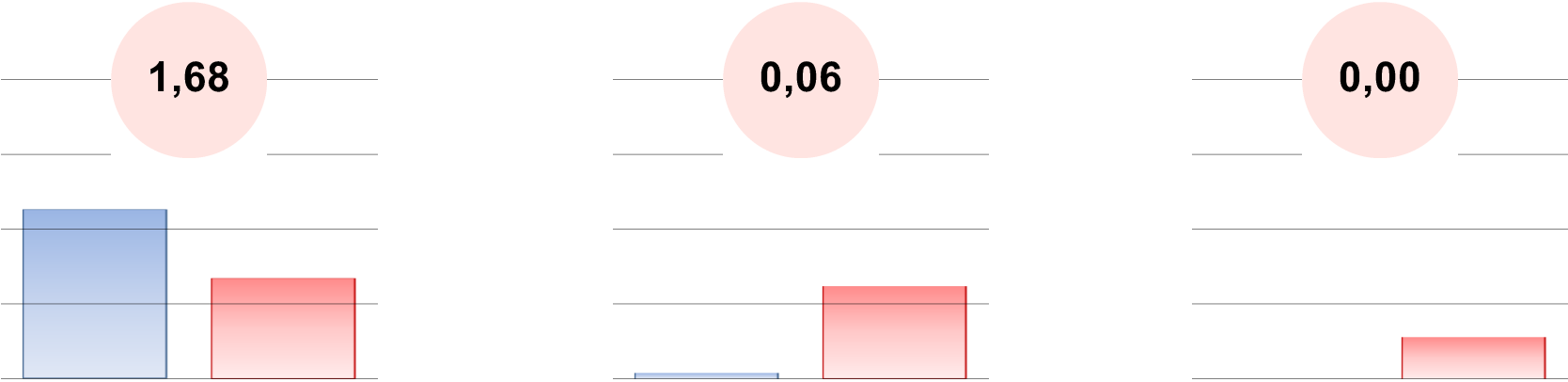
Enterotype					
Enterotype	1=2				FE NA) MGSEQ

Het menselijke microbioom kan in drie enterotypes ingedeeld worden. De darmbacteriën vormen, afhankelijk van het enterotype, stabiele, maar duidelijk verschillende clusters met typische metabolische eigenschappen. Enterotype 1 wordt gekenmerkt door hoge aantallen Bacteroides en enterotype 2 door een sterke Prevotella kolonisatie. Enterotype 3 wordt gekenmerkt door een Ruminococcus flora.

Enterotyp



Dysbiose-index					
De dysbiose index is een maatstaf die afwijkingen binnen het microbioom weergeeft. Bij deze maatstaf wordt rekening gehouden met alle onderzochte bacteriefyla, -geslachten en -soorten e.e.a. afhankelijk van hun relevantie.					
					NA) RECHN
Index					

Ratio					
					
Firmicutes / Bacteroidetes	1,68				
Normbereik: < 1,5					
Actinobacteria / Proteobacteria	0,06				
Normbereik: > 0,5					
Prevotella / Bacteroides	0,00				
Normbereik: > 0,1					

Indeling van bacteriën naar fyllum					
Actinobacteria	0,4	%	1,0 - 5,0		FE NA) MGSEQ
Bacteroidetes	33,6	%	30 - 60		FE NA) MGSEQ

*Externe analyse (R), A) geaccrediteerd NA) niet geaccrediteerd, voor meer informatie over de afkortingen verwijzen wij u naar ons dienstencatalogus.

Naam	Geboortedatum		Opdrachtnr.	
Voornaam	Geslacht		vrouwelijk	Ingangsdatum
				21.01.2021
Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik	Vorig onderzoek
Firmicutes	56,6	%	30 - 60	
Fusobacteria	0,0	%	0,0 - 1,0	
Proteobacteria	6,2	%	1,5 - 5,0	
Verrucomicrobia	2,2	%	1,5 - 5,0	
Overige	1,1	%		

Metabooloom (stofwisselingsactieve bacteriegroepen)				
Secundaire galzuren	-1,5	%		
TMA / TMAO	-44,5	%		
Indoxylsulfaat	-50,0	%		
Fenolen	-44,6	%		
Ammoniak	-33,9	%		
Histamine	-50,0	%		
Equol	-39,2	%		
Beta-glucuronidasen	-48,3	%		

Indeling van bacteriën naar fyllum met de belangrijkste bacteriegeslachten en -soorten				
Actinobacteria				
Bifidobacterium	1,9 x 10^9	KVE/g feces	> 5,0 x 10^9	FE NA) MGSEQ
Bifidobacterium longum	69	%		FE NA) MGSEQ
Bifidobacterium adolescentis	27	%		FE NA) MGSEQ
Bacteroidetes				
Bacteroides	1,4 x 10^11	KVE/g feces	> 1,5 x 10^11	FE NA) MGSEQ
Bacteroides uniformis	12	%		FE NA) MGSEQ
Bacteroides ovatus	7	%		FE NA) MGSEQ
Prevotella	1,1 x 10^8	KVE/g feces	> 1,0 x 10^10	FE NA) MGSEQ
Prevotella copri	0	%		FE NA) MGSEQ
Histaminevormende bacteriën				
Butyraatproducerende bacteriën				
Totaal kiemgetal	2,1 x 10^11	KVE/g feces	> 1,2 x 10^11	FE NA) MGSEQ
Faecalibacterium prausnitzii	9,7 x 10^10	KVE/g feces	> 5,0 x 10^10	FE NA) MGSEQ
Eubacterium rectale	6,7 x 10^9	KVE/g feces	> 1,0 x 10^10	FE NA) MGSEQ
Eubacterium hallii	2,3 x 10^10	KVE/g feces	> 5,0 x 10^9	FE NA) MGSEQ
Roseburia spp.	1,0 x 10^10	KVE/g feces	> 2,0 x 10^10	FE NA) MGSEQ
Ruminococcus spp.	2,4 x 10^10	KVE/g feces	> 3,0 x 10^10	FE NA) MGSEQ
Coprococcus spp.	3,6 x 10^10	KVE/g feces	> 2,0 x 10^10	FE NA) MGSEQ
Butyrivibrio spp.	9,7 x 10^9	KVE/g feces	> 5,0 x 10^9	FE NA) MGSEQ
Clostridia				
Totaal kiemgetal	4,6 x 10^9	KVE/g feces	< 4,0 x 10^9	FE NA) MGSEQ
Clostridia Cluster I	4,6 x 10^7	KVE/g feces	< 2,0 x 10^9	FE NA) MGSEQ
Fusobacteria				
Fusobacterium	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 1,0 x 10^7	FE NA) MGSEQ
Verrucomicrobia				
Akkermansia muciniphila	2,2 x 10^10	KVE/g feces	> 5,0 x 10^9	FE NA) MGSEQ
Proteobacteria				
Pathogene of potentieel pathogene bacteriën				
Haemophilus spp.	2,8 x 10^8	KVE/g feces	< 1,0 x 10^9	FE NA) MGSEQ

*Externe analyse (R), A) geaccrediteerd NA) niet geaccrediteerd, voor meer informatie over de afkortingen verwijzen wij u naar ons dienstencatalogus.

Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik	Vorig onderzoek	
Acinetobacter spp.	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 1,0 x 10^6		FE NA) MGSEQ
Proteus spp.	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 1,0 x 10^6		FE NA) MGSEQ
Klebsiella spp.	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 1,0 x 10^6		FE NA) MGSEQ
Enterobacter spp.	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 1,0 x 10^6		FE NA) MGSEQ
Serratia spp.	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 1,0 x 10^6		FE NA) MGSEQ
Hafnia spp.	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 1,0 x 10^6		FE NA) MGSEQ
Morganella spp.	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 1,0 x 10^6		FE NA) MGSEQ
Citrobacter spp.	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 5,0 x 10^8		FE NA) MGSEQ
Pseudomonas spp.	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 5,0 x 10^7		FE NA) MGSEQ
Providencia spp.	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 5,0 x 10^7		FE NA) MGSEQ
H2S-vorming					
Sulfaatreducerende bacteriën (SRB)	1,0 x 10^9	KVE/g feces	< 2,0 x 10^9		FE NA) MGSEQ
Desulfovibrio piger	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 1,0 x 10^9		FE NA) MGSEQ
Desulfomonas pigra	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 1,0 x 10^9		FE NA) MGSEQ
Bilophila wadsworthia	<1,0 x 10^5	KVE/g feces	< 2,0 x 10^9		FE NA) MGSEQ
Immunogeniciteit / mucine vorming					
Immunogeen werkende bacteriën					
Escherichia coli	1,7 x 10^7	KVE/g feces	10^6 - 10^7		FE NA) MGSEQ
Enterococcus spp.	1,0 x 0	KVE/g feces	10^6 - 10^7		FE NA) MGSEQ
Lactobacillus spp.	2,3 x 10^6	KVE/g feces	10^5 - 10^7		FE NA) MGSEQ
Mucine vorming / slijmvliesbarrière					
Akkermansia muciniphila	2,2 x 10^10	KVE/g feces	> 5,0 x 10^9		FE NA) MGSEQ
Faecalibacterium prausnitzii	9,7 x 10^10	KVE/g feces	> 5,0 x 10^10		FE NA) MGSEQ
Archaea					
Methanogenen					
Methanobrevibacter spp.	2,1 x 10^8	KVE/g feces	< 1,0 x 10^8		FE NA) MGSEQ
Mycobioom: relevante gisten					
Candida albicans (CA)	4,2 x 10^4	KBE /g Stuhl	<1,0 x 10^3		FE NA) QPCR
Candida krusei (CK)	<1,0 x 10^3	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10^3		FE NA) QPCR
Candida glabrata (CG)	<1,0 x 10^3	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10^3		FE NA) QPCR
Candida dubliniensis (CD)	<1,0 x 10^3	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10^3		FE NA) QPCR
Candida parapsilosis (CP)	<1,0 x 10^3	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10^3		FE NA) QPCR
Candida tropicalis (CTp)	<1,0 x 10^3	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10^3		FE NA) QPCR
Candida lusitaniae (CL)	<1,0 x 10^3	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10^3		FE NA) QPCR
Parasieten					
Pathobionten					
Blastocystis hominis	grenswaarde		negatief		FE A) MOLEK
Dientamoeba fragilis	positief		negatief		FE A) MOLEK
Pathogene darmprotozoa					
Giardia lamblia	negatief		negatief		FE A) MOLEK
Entamoeba histolytica	negatief		negatief		FE A) MOLEK
Cryptosporidium spp.	negatief		negatief		FE A) MOLEK
Cyclospora cayetanensis	negatief		negatief		FE A) MOLEK

FE=feces

*Externe analyse (R), A) geaccrediteerd NA) niet geaccrediteerd, voor meer informatie over de afkortingen verwijzen wij u naar ons dienstencatalogus.

Uitslagen en therapiemogelijkheden



pH-waarde	
Enterotype	
Diversiteit	
Firmicutes/Bacteroidetes-ratio	
Butyraatproducerende bacteriën	
Mucusvorming (A. muciniphila)	
Slijmvliesintegriteit (F. prausnitzii)	
Milieustabiliserende bacteriën	
Immunogeen werkende bacteriën	
Clostridia totaal kiemgetal	
Clostridia Cluster I	
Fusobacteriën	
H2S vormende bacteriën	
Potentieel pathogene bacteriën	
Candida (facultatief pathogeen)	

Metabooloom (stofwisselingsactieve bacteriegroepen)

Secundaire galzuren	
TMA / TMAO	
Beta-glucuronidasen	
Indoxylsulfaat	
Fenolen	
Ammoniak	
Histamine	
Equol	