

Extern Nr.

Naam	-	Geboortedatum	23.01.1964	Opdrachtnr.	12197888
Voornaam	-	Geslacht	vrouwelijk	Ingangsdatum	15.10.2020
Datum monsterafname	15.10.2020 00:00	Gevalideerd door		Uitslagstatus	Eindbericht
Materiaal	FE	Gevalideerd op	19.10.2020	Uitslagstatus op	19.10.2020

Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik	Vorig onderzoek
Fecesdiagnostiek				
Microbioom Maxi Plus (incl. wormen)				
Moleculair-genetische microbioomanalyse 3.0				
Kenmerken van de feces				
Kleur	bruin			FE NA) VISU
Consistentie	taaubrijig			FE NA) VISU
pH-waarde	7,4		5,8 - 6,5	FE NA) TESTS
Diversiteit				
Diveriteit	6,22		> 5	FE NA) MGSEQ

De diversiteit aan bacteriën in de darm kan van mens tot mens sterk variëren. Frequent gebruik van antibiotica, infecties, toenemende leeftijd, eenzijdige voeding of roken zijn hierop van invloed.

Grad



Enterotype	
Bacteroides	FE NA) MGSEQ
<p>Het menselijke microbioom kan in drie enterotypes ingedeeld worden. De darmbacteriën vormen, afhankelijk van het enterotype, stabiele, maar duidelijk verschillende clusters met typische metabolische eigenschappen. Enterotype 1 wordt gekenmerkt door hoge aantallen Bacteroides en enterotype 2 door een sterke Prevotella kolonisatie. Enterotype 3 wordt gekenmerkt door een Ruminococcus flora.</p>	
Enterotyp	1

Dysbiose-index	
<p>De dysbiose index is een maatstaf die afwijkingen binnen het microbioom weergeeft. Bij deze maatstaf wordt rekening gehouden met alle onderzochte bacteriefyla, -geslachten en -soorten e.e.a. afhankelijk van hun relevantie.</p>	
Index	19

Ratio		
2,27	1,90	0,00
<p>Firmicutes / Bacteroidetes Normbereik: < 1,5</p>	<p>Actinobacteria / Proteobacteria Normbereik: > 0,5</p>	<p>Prevotella / Bacteroides Normbereik: > 0,1</p>

Naam - Geboortedatum **23.01.1964** Opdrachtnr. **12197888**
 Voornaam - Geslacht vrouwelijk Ingangsdatum **15.10.2020**

Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik	Vorig onderzoek
Indeling van bacteriën naar fyllum				
Actinobacteria	5,9	%	1,0 - 5,0	FE NA) MGSEQ
Bacteroidetes	26,3	%	30 - 60	FE NA) MGSEQ
Firmicutes	59,6	%	30 - 60	FE NA) MGSEQ
Fusobacteria	0,0	%	0,0 - 0,1	FE NA) MGSEQ
Proteobacteria	3,1	%	1,5 - 5,0	FE NA) MGSEQ
Verrucomicrobia	4,1	%	1,5 - 5,0	FE NA) MGSEQ
Overige	1,0	%		FE NA) MGSEQ

Metabooloom (stofwisselingsactieve bacteriegroepen)				
Secundaire galzuren	-22,2	%		
TMA / TMAO	140,7	%		
Indoxylsulfaat	-50,0	%		
Fenolen	35,5	%		
Ammoniak	-39,8	%		
Histamine	-50,0	%		
Equol	-28,4	%		
Beta-glucuronidasen	-33,7	%		

Indeling van bacteriën naar fyllum met de belangrijkste bacteriegeslachten en -soorten

Actinobacteria				
Bifidobacterium	5,7 x 10 ¹⁰	KVE/g feces	> 5,0 x 10 ⁹	FE NA) MGSEQ
Bifidobacterium adolescentis	62	%		FE NA) MGSEQ
Bifidobacterium longum	1	%		FE NA) MGSEQ
Equolvormende bacteriën	3,0 x 10⁹	KVE/g feces	> 5,0 x 10 ⁹	FE NA) MGSEQ
Adlercreutzia spp.	●			FE NA) MGSEQ
Eggerthella lenta	●			FE NA) MGSEQ
Slackia spp.	●			FE NA) MGSEQ

Bacteroidetes				
Bacteroides	1,0 x 10¹¹	KVE/g feces	> 1,5 x 10 ¹¹	FE NA) MGSEQ
Bacteroides uniformis	32	%		FE NA) MGSEQ
Bacteroides caccae	15	%		FE NA) MGSEQ
Prevotella	1,3 x 10⁸	KVE/g feces	> 1,0 x 10 ¹⁰	FE NA) MGSEQ

Firmicutes

Butyraatproducerende bacteriën

Totaal kiemgetal	2,3 x 10 ¹¹	KVE/g feces	> 1,2 x 10 ¹¹	FE NA) MGSEQ
Faecalibacterium prausnitzii	3,7 x 10¹⁰	KVE/g feces	> 5,0 x 10 ¹⁰	FE NA) MGSEQ
Eubacterium rectale	4,0 x 10 ¹⁰	KVE/g feces	> 1,0 x 10 ¹⁰	FE NA) MGSEQ
Eubacterium hallii	2,6 x 10 ¹⁰	KVE/g feces	> 5,0 x 10 ⁹	FE NA) MGSEQ
Roseburia spp.	4,8 x 10 ¹⁰	KVE/g feces	> 2,0 x 10 ¹⁰	FE NA) MGSEQ
Ruminococcus spp.	3,0 x 10¹⁰	KVE/g feces	> 3,0 x 10 ¹⁰	FE NA) MGSEQ
Coprococcus spp.	2,4 x 10 ¹⁰	KVE/g feces	> 2,0 x 10 ¹⁰	FE NA) MGSEQ
Butyrivibrio spp.	2,3 x 10 ¹⁰	KVE/g feces	> 5,0 x 10 ⁹	FE NA) MGSEQ

Clostridia

Totaal kiemgetal	2,2 x 10 ⁹	KVE/g feces	< 4,0 x 10 ⁹	FE NA) MGSEQ
Clostridia Cluster I	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 2,0 x 10 ⁹	FE NA) MGSEQ
Clostridium histolyticum	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 2,0 x 10 ⁹	FE NA) MGSEQ

FE=feces

*Externe analyse (R), A) geaccrediteerd NA) niet geaccrediteerd

Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik		Vorig onderzoek
Clostridium perfringens	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁸		FE NA) MGSEQ
Clostridium sporogenes	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁸		FE NA) MGSEQ
Verdere Firmicutes					
Christensenellaceae	6,4 x 10 ⁹	KVE/g feces	> 1,0 x 10 ⁹		FE NA) MGSEQ
Dialister spp.	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 4,0 x 10 ¹⁰		FE NA) MGSEQ
Cl. butyricum	1,0 x 10⁸	KVE/g feces	> 1,0 x 10 ⁸		FE NA) MGSEQ
Fusobacteria					
Fusobacterium	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁷		FE NA) MGSEQ
Verrucomicrobia					
Akkermansia muciniphila	4,1 x 10 ¹⁰	KVE/g feces	> 5,0 x 10 ⁹		FE NA) MGSEQ
Proteobacteria					
Pathogene of potentieel pathogene bacteriën					
Haemophilus spp.	1,0 x 10 ⁸	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁹		FE NA) MGSEQ
Acinetobacter spp.	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁶		FE NA) MGSEQ
Proteus spp.	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁶		FE NA) MGSEQ
Klebsiella spp.	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁶		FE NA) MGSEQ
Enterobacter spp.	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁶		FE NA) MGSEQ
Serratia spp.	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁶		FE NA) MGSEQ
Hafnia spp.	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁶		FE NA) MGSEQ
Morganella spp.	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁶		FE NA) MGSEQ
Citrobacter spp.	1,6 x 10¹⁰	KVE/g feces	< 5,0 x 10 ⁸		FE NA) MGSEQ
Pseudomonas spp.	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 5,0 x 10 ⁷		FE NA) MGSEQ
Providencia spp.	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 5,0 x 10 ⁷		FE NA) MGSEQ
H2S-vorming					
Sulfaatreducerende bacteriën	3,1 x 10⁹	KVE/g feces	< 2,0 x 10 ⁹		FE NA) MGSEQ
Desulfovibrio piger	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁹		FE NA) MGSEQ
Desulfomonas pigra	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁹		FE NA) MGSEQ
Bilophila wadsworthii	< 1,0 x 10 ⁵	KVE/g feces	< 2,0 x 10 ⁹		FE NA) MGSEQ
Histaminevormende bacteriën					
Histaminevormende bacteriën	2,0 x 10 ⁶	KVE/g feces	< 5,0 x 10 ⁸		FE NA) MGSEQ
Oxalaatafbrekende bacteriën					
Oxalobacter formigenes	1,2 x 10 ⁹	KVE/g feces	> 1,0 x 10 ⁸		FE NA) MGSEQ
Immunogeniciteit / mucine vorming					
Immunogeen werkende bacteriën					
Escherichia coli	6,7 x 10 ⁶	KVE/g feces	10 ⁶ - 10 ⁷		FE NA) MGSEQ
Enterococcus spp.	< 1,0 x 10⁵	KVE/g feces	10 ⁶ - 10 ⁷		FE NA) MGSEQ
Lactobacillus spp.	7,7 x 10 ⁶	KVE/g feces	10 ⁵ - 10 ⁷		FE NA) MGSEQ
Mucine vorming / slijmvliesbarrière					
Akkermansia muciniphila	4,1 x 10 ¹⁰	KVE/g feces	> 5,0 x 10 ⁹		FE NA) MGSEQ
Faecalibacterium prausnitzii	3,7 x 10¹⁰	KVE/g feces	> 5,0 x 10 ¹⁰		FE NA) MGSEQ
Archaea					
Methanogenen					
Methanobrevibacter spp.	1,0 x 10⁸	KVE/g feces	< 1,0 x 10 ⁸		FE NA) MGSEQ
Mycobioom: relevante gisten					
Candida albicans (CA)	< 1,0 x 10 ³	KBE /g Stuhl	<1,0 x 10 ³		FE NA) QPCR

FE=feces

*Externe analyse (R), A) geaccrediteerd NA) niet geaccrediteerd

Naam - Geboortedatum 23.01.1964 Opdrachtnr. 12197888
 Voornaam - Geslacht vrouwelijk Ingangsdatum 15.10.2020

Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik	Vorig onderzoek
Candida krusei (CK)	< 1,0 x 10 ³	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10 ³	FE NA) QPCR
Candida glabrata (CG)	< 1,0 x 10 ³	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10 ³	FE NA) QPCR
Candida dubliniensis (CD)	< 1,0 x 10 ³	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10 ³	FE NA) QPCR
Candida parapsilosis (CP)	< 1,0 x 10 ³	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10 ³	FE NA) QPCR
Candida tropicalis (CTp)	< 1,0 x 10 ³	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10 ³	FE NA) QPCR
Candida lusitanae (CL)	< 1,0 x 10 ³	KBE /g Stuhl	< 1,0 x 10 ³	FE NA) QPCR

Parasieten

Pathobionten

Blastocystis hominis	negatief		negatief	FE A) MOLEK
Dientamoeba fragilis	grenswaarde		negatief	FE A) MOLEK

Pathogene darmprotozoa

Giardia lamblia	negatief		negatief	FE A) MOLEK
Entamoeba histolytica	negatief		negatief	FE A) MOLEK
Cryptosporidium spp.	negatief		negatief	FE A) MOLEK
Cyclospora cayetanensis	negatief		negatief	FE A) MOLEK

Helminthiasis

Helminthen

Spoelwormen (Ascaris spp.)	negatief		negatief	FE NA) MOLEK
Aarsmade (Enterobius vermicularis)	negatief		negatief	FE NA) MOLEK
Mijnwormen (Ancylostoma spp.)	negatief		negatief	FE NA) MOLEK
Rondwormen (Strongyloides spp.)	negatief		negatief	FE NA) MOLEK
Zweepworm (Trichus trichiura)	negatief		negatief	FE NA) MOLEK
Dwerglintwormen (Hymenolepsis spp.)	negatief		negatief	FE NA) MOLEK
Lintwormen (Taenia spp.)	negatief		negatief	FE NA) MOLEK
Mijnworm (Necator americanus)	negatief		negatief	FE NA) MOLEK

Microsporidia

Enterocytozoon spp. / Encephalitozoon spp.	negatief		negatief	FE NA) MOLEK
--	----------	--	----------	-----------------

Coloncarcinoom screening

Calprotectine	<17,90	mg/l	< 50	FE A) ELISA
Hemoglobine in feces, immunologisch	<10	µg/g	< 10	FE A) ELISA

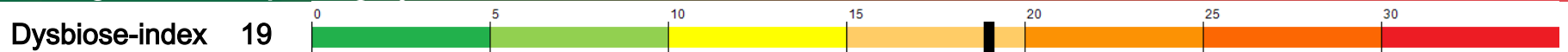
Extra parameter(s)

Secretoir Immunoglobuline A	715,2	µg/ml	510 - 2040	FE A) ELISA
Pancreas elastase in feces	308,20	µg/g	> 200	FE A) ELISA

Maagdiagnostiek

Helicobacter AG	negatief		negatief	FE A) CLIA
-----------------	----------	--	----------	---------------

Uitslagen en therapiemogelijkheden



pH-waarde		milieustabiliserende probiotica *
Enterotype	1	controleer inname vitamine A, E, ijzer en calcium
Diversiteit		
Firmicutes/Bacteroidetes-ratio		low-carb voeding, prebiotica (scFOS/scGOS)*
Butyraatproducerende bacteriën		prebiotica op basis van resistent zetmeel* of scFOS/scGOS*
Mucusvorming (A. muciniphila)		
Slijmvliesintegriteit (F. prausnitzii)		prebiotica (scFOS/scGOS)*, fosfatidylcholine, L-glutamine
Milieustabiliserende bacteriën		
Immunogeen werkende bacteriën		immunogeen werkende probiotica*
Clostridia totaal kiemgetal		
Clostridia Cluster I		
Fusobacteriën		
H ₂ S vormende bacteriën		vet- en eiwitreductie, milieustabiliserende probiotica, prebiotica op basis van resistent zetmeel of scFOS/scGOS
Potentieel pathogene bacteriën		immunogeen werkende /toxine remmende probiotica*
Candida (facultatief pathogeen)		
Oxalaatafbrekende bacteriën		
Secundaire galzuren		
TMA / TMAO		
Beta-glucuronidasen		
Indoxylsulfaat		
Fenolen		
Ammoniak		
Histamine		
Equol		